

GCCCTTT  
 GCCCTTTAG  
 GTCCCTTAACAGCAAT  
 CTTTAGCAGAA  
 TAGCAGAAATCCTAG  
 CAGCAATGCTGGGGAG  
 AAATCCTAGAGAGCAA  
 AATGCTGGGGAGCTAT  
 ATGCTGGGGAGCTA  
 CTGGGGAGCTATCAA  
 GGGGAGCTATCAACA  
 AGCAATAAACTTAAT  
 TATCAACATAACCA  
 TCAACATAACCA

1 GCCCTTT  
 2 GCCCTTTAG  
 3 GTCCCTTAACAGCAAT  
 4 CTTTAGCAGAA  
 5 TAGCAGAAATCCTGG  
 6 CAGCAATGCTGGGGAG  
 7 AAATCCTAGAGAGCAA  
 8 AATGCTGGGGAGCTAT  
 9 ATGCTGGGGAGCAA  
 10 CTGGGGAGCTATCAA  
 11 GGGGAGCTATCAACA  
 12 AGCAATAAACTTAAT  
 13 TATCAACATAACCA  
 14 TCAACATAACCA

